

ショートリードとロングリードを使った de novo シーケンス (新規ゲノム)

# 微生物等の全ゲノムシーケンス受託解析



**MiSeq+ナノポアによるハイブリッドアッセンブル**  
塩基精度の高い MiSeq のデータと、リピート配列に強いナノポアのデータを合わせたハイブリッドアッセンブルで精度の高いゲノムシーケンスを行います。

**専門のバイオインフォマティシャンとの解析** **安心**  
ゲノムシーケンスの経験豊富な専門家と連携して作業を行います。

**対象生物種** 口腔細菌以外でももちろん OK !!  
細菌, 古細菌: クロモソームスケールのアッセンブル  
植物\*, 昆虫\*, 真核藻類\*, 真菌\*  
※生物種によっては DNA ライブラリー調整やインフォマティクスの難しさが予想されますが、よりゲノムサイズの大きな生物種でも、ロングリードを使うことで連続性が大幅に改善されたアッセンブルが可能です。(要相談)

解析内容と費用 ※費用はすべて税別です

- 細菌の全ゲノム de novo シーケンスの場合 -

1. MiSeq 用のライブラリー調整とシーケンス
2. ナノポア用のライブラリー調整とシーケンス
3. リードのハイブリッドアッセンブル
4. オプションでアノテーション等を実施

- お急ぎの場合 (納期 3-4 週間) 40 万円
- 急がない場合 (納期 2-3 ヶ月) 17 万円
- オプション
  - ・オートアノテーション (3 万円)
  - ・マニュアルアノテーション (10 万円)
  - ・DNA 抽出 (5 千~1 万円)

細菌種, 生物種が異なると必要なデータ量や作業内容が変わるため、解析費用が変わります。また、データ解析のみ、MiSeq やナノポアのシーケンスデータ取得のみもできます。お気軽にご相談ください。

\*\*\*\*\*  
**新サービス開始&年度末キャンペーン**  
**細菌 1 株 10 万円 (税別)**  
 ※DNA 抽出, 遺伝子アノテーションは含まれません  
 オートアノテーションは+2 万円を実施  
 ・2019 年 2 月 20 日到着分まで  
 ・納品は 2019 年 3 月中に行います  
 \*\*\*\*\*

納品物

- ・シーケンス生データ (fastq)
- ・ゲノム配列データ (fasta)
- ・遺伝子予測データ (fasta, genbank) ※実施の場合

**MiSeq によるリシーケンス  
変異解析もご相談ください!**

**お問い合わせ  
お申し込み**



<http://tani8020.jp/microbiome/>

## 口腔常在微生物叢解析センター

オックスフォードナノポアテクノロジー社のサービスプロバイダーとして認可されています。

TEL : 087-831-8020

E-mail : [micro@tani8020.jp](mailto:micro@tani8020.jp)

香川県高松市常磐町 2-3-35

